

Ringversuch: **IG1/23**
im Monat: **Februar 2023**
Teilnehmer-Nr.: **0005192**
ausgestellt am: **28.02.23**



Referenzinstitut für Bioanalytik

Ärztliche LG Bayern
in der Kreisklinik Altötting
Zentrallabor - Herr H. Maier
Vinzenz-von-Paul-Str. 10
84503 Altötting



Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. A. Kessler

Bonn, 12. April 2023

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für Proteinbestimmungen im Serum teilgenommen haben.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Albumin	(4)	Transferrin	(4)	IgA	(4)
IgG	(4)	IgM	(4)	CRP	(4)

Dieses Zertifikat ist gemäss aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich August 2023.

W. Kohse *A. Kessler* *Anna Bode*

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

http://www.rfb.bio/certificates?nr=0005192&rv_id=IG231&version=0&uid=5F17245465274C38889854EE739FC64

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgröße ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

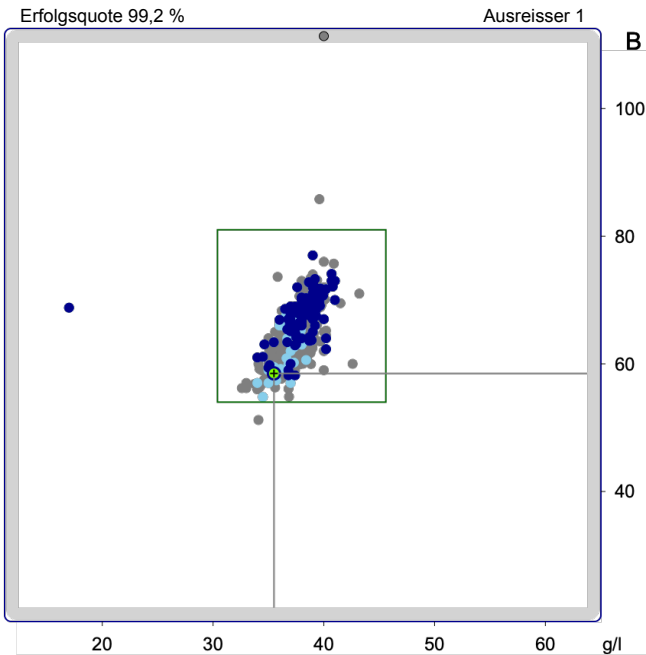
Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrößen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält. Wenn alle untersuchten Messgrößen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der Richtlinie der BÄK (Dt. Ärzteblatt 111, Heft 38, 19.9.2014). ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze	Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax <= 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0) ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen
---	--

	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG							
Albumin [g/l]	+	4	A	35.5	-0.33	38.0	30.4	45.6						
			B	58.5	-0.67	67.5	54.0	81.0						
Transferrin [mg/dl]	+	4	A	28.0	0	28.0	0	56.0						
			B	336	-0.10	340	299	381						
IgA [mg/dl]	+	4	A	110	-0.05	111	88.8	134						
			B	363	0.05	359	287	431						
IgG [mg/dl]	+	4	A	62.0	-0.09	68.0	0	472						
			B	1010	0	1010	828	1200						
IgM [mg/dl]	+	4	A	78.0	0.04	77.0	56.9	97.1						
			B	166	0.09	162	119	205						
CRP [mg/dl]	+	4	A	1.49	-0.42	1.63	1.30	1.96						
			B	3.99	-0.47	4.41	3.52	5.30						

Analyt **Albumin**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	514		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	37.5		64.5
Standardabweichung	1.79		4.60
Variationskoeffizient	4.77		7.13

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		514	17.0	36.0	37.6	39.0	43.2
2	13	11	32.6	34.0	37.4	38.3	39.3
2	28	17	36.8	37.3	38.4	39.7	43.2
4	4	4	34.0		35.3		37.0
4	30	99	17.0	36.8	38.0	39.5	41.0
4	38	8	35.0	35.0	36.5	38.2	38.4
4	328	14	34.5	36.0	37.0	38.0	38.1
7	4	63	33.7	35.0	37.0	38.0	39.4
7	30	177	33.0	37.0	38.2	39.4	41.5
7	38	50	34.2	35.6	36.0	37.4	39.6
7	40	12	34.2	35.1	35.5	37.8	38.0
7	43	17	35.0	36.0	36.3	37.1	37.7
7	126	4	36.0		36.9		38.6
7	328	9	35.6	35.8	36.9	38.4	39.0

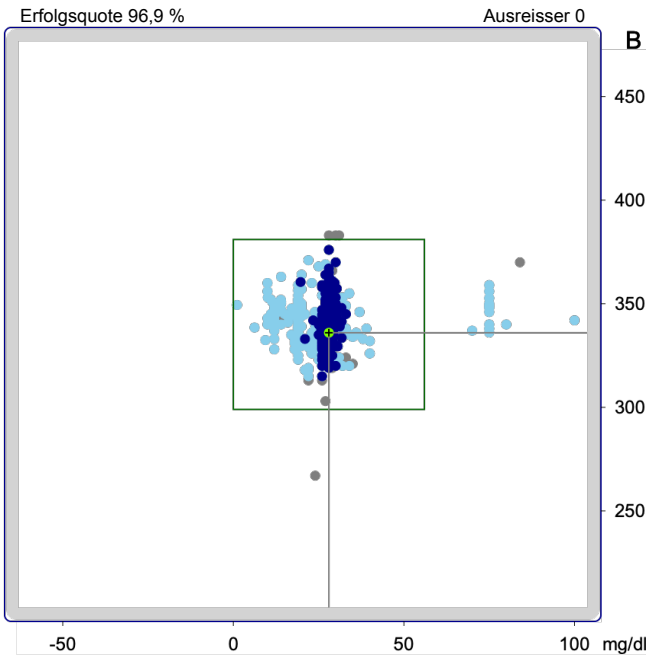
Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		514	51.2	59.5	64.5	69.5	6405
2	13	11	56.2	59.7	61.2	67.0	67.4
2	28	17	63.1	64.3	66.8	68.6	71.0
4	4	4	57.0		58.3		62.0
4	30	99	58.2	63.4	67.5	70.9	77.0
4	38	8	57.0	57.2	59.6	65.9	70.0
4	328	14	54.8	66.0	67.0	69.1	70.0
7	4	63	56.0	57.5	62.0	63.8	66.2
7	30	177	51.2	61.4	65.9	71.0	6405
7	38	50	56.3	58.8	59.7	65.5	71.4
7	40	12	59.2	61.0	62.3	67.3	69.0
7	43	17	58.0	58.5	60.0	65.7	66.2
7	126	4	54.8		62.4		65.2
7	328	9	63.0	64.2	67.0	69.2	71.0

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -6.5 % B -13.33 %

Andere Kits (Anzahl):
1-13(1), 1-30(3), 1-328(1), 2-30(1), 2-38(1), 2-40(1), 2-43(3), 2-140(1), 2-228(1), 2-328(1), 4-12(1), 4-13(1), 4-14(1), 4-40(1), 4-43(2), 4-126(1), 4-140(2), 5-30(1), 6-08(1), 7-13(1), 7-32(1), 7-128(1), 7-228(1),

Analyt **Transferrin**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	614		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	27.0		341
Standardabweichung	10.0		10.8
Variationskoeffizient	37.2		3.16

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		614	1.10	19.0	27.0	30.0	100
2	13	6	28.0		29.9		84.0
2	28	9	26.0	26.6	28.0	29.8	30.9
2	43	3	22.0		25.4		27.7
4	4	85	15.0	19.0	19.0	19.2	75.0
4	12	4	11.4		16.5		26.4
4	30	348	19.7	27.0	28.0	29.4	33.0
4	38	64	1.10	11.0	16.5	75.0	80.0
4	40	23	19.0	22.0	24.0	26.3	30.0
4	43	29	19.9	25.0	26.0	28.4	100
4	126	5	25.0		26.0		30.0
4	328	17	30.0	30.9	34.0	39.1	40.0
5	30	3	27.2		28.0		30.0

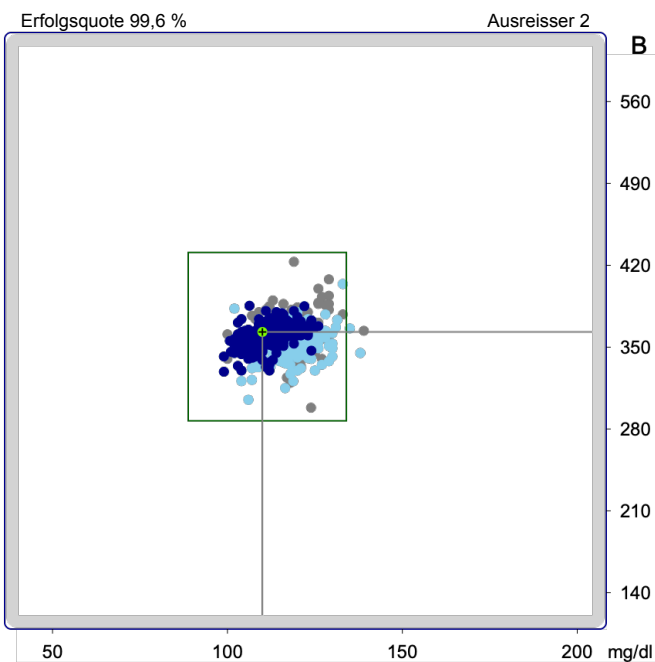
Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		614	267	331	340	350	383
2	13	6	320		363		383
2	28	9	303	309	326	373	383
2	43	3	313		322		332
4	4	85	323	334	341	349	364
4	12	4	320		338		351
4	30	348	315	332	340	350	376
4	38	64	324	337	345	352	371
4	40	23	315	319	334	338	354
4	43	29	323	330	337	349	356
4	126	5	334		348		369
4	328	17	320	322	335	341	346
5	30	3	330		336		356

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0 % B -1.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-30(1), 2-30(2), 2-38(1), 2-99(1), 2-228(2), 2-328(2), 4-13(1), 4-16(1), 4-128(1), 4-140(1), 4-154(1), 5-04(1), 7-38(1), 7-43(1), 7-126(1),

Analyt **IgA**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	532		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	115		357
Standardabweichung	7.20		13.7
Variationskoeffizient	6.24		3.83

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	532	99.0	108	115	123	383	
2	13	15	100	102	111	115	119
2	28	49	110	118	123	128	139
4	4	77	107	116	121	126	135
4	12	4	120		122		130
4	30	273	99.0	106	111	117	383
4	38	42	104	117	121	124	131
4	40	15	110	110	120	127	130
4	43	24	106	110	119	126	138
4	126	3	107		108		114
4	140	4	104		109		133
4	328	8	110	110	115	125	125

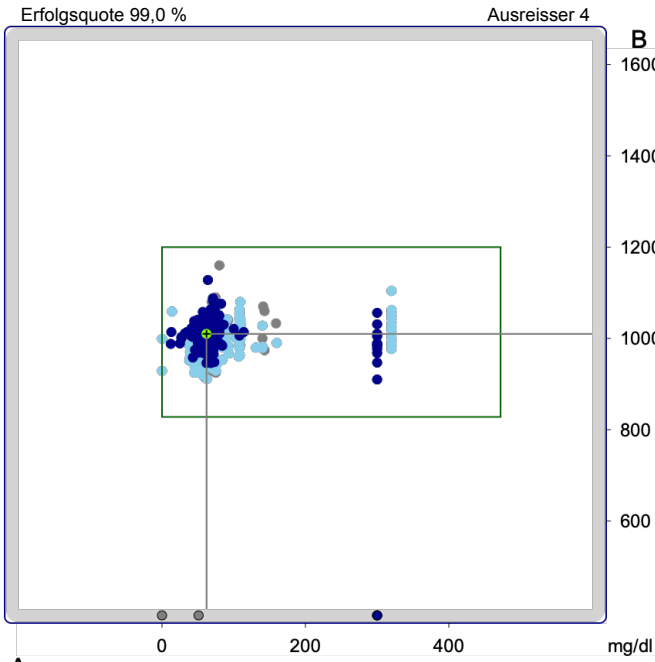
Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	532	118	345	358	369	423	
2	13	15	340	356	377	388	423
2	28	49	320	346	364	386	408
4	4	77	322	344	353	362	378
4	12	4	350		361		366
4	30	273	118	351	359	369	385
4	38	42	321	336	348	359	370
4	40	15	321	334	350	376	380
4	43	24	305	333	356	369	379
4	126	3	345		360		370
4	140	4	334		345		404
4	328	8	340	342	354	362	362

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -0.9 % B 1.0 %

Andere Kits (Anzahl): 2-43(2), 2-99(1), 2-126(1), 2-140(1), 2-228(2), 2-328(1), 4-13(1), 4-20(1), 4-128(2), 4-154(1), 5-04(1), 5-30(1), 7-30(1), 7-38(2).

Analyt **IgG**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	536		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	87.2		1007
Standardabweichung	61.7		34.0
Variationskoeffizient	70.8		3.38

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	536	0	60.0	70.0	108	1061	
2	13	17	68.0	68.9	70.3	74.0	109
2	28	49	59.9	66.5	69.4	75.0	143
4	4	76	51.0	108	108	320	320
4	30	276	12.2	60.0	68.0	73.0	1061
4	38	46	38.0	43.4	57.0	75.0	108
4	40	16	38.0	69.2	75.0	146	160
4	43	24	0	70.0	70.0	93.0	140
4	126	3	14.0		68.2		90.0
4	140	3	66.0		68.0		70.0
4	328	8	84.0	84.4	91.5	106	107

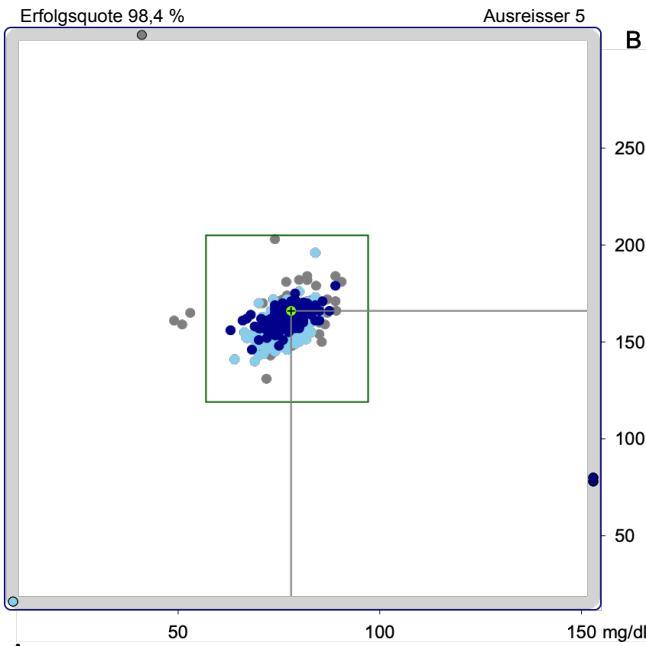
Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	536	57.0	975	1010	1040	1160	
2	13	17	940	964	1005	1041	1060
2	28	49	914	983	1030	1060	1160
4	4	76	948	997	1025	1043	1104
4	30	276	57.0	986	1010	1039	1128
4	38	46	911	940	957	983	1027
4	40	16	980	982	1002	1028	1055
4	43	24	934	950	987	1015	1028
4	126	3	983		1016		1059
4	140	3	959		1010		1020
4	328	8	953	956	1000	1029	1042

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -8.8 % B 0 %

Andere Kits (Anzahl): 2-43(2), 2-99(1), 2-126(1), 2-140(1), 2-228(2), 2-328(1), 4-12(1), 4-13(1), 4-128(2), 4-154(1), 5-04(1), 5-30(1), 7-30(1), 7-38(2).

Analyt **IgM**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	530	
Probe/Einheit	A mg/dl	B
Mittelwert	77.2	161
Standardabweichung	4.35	6.88
Variationskoeffizient	5.64	4.27

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	530	7.00	74.0	77.0	81.0	162	
2	13	15	49.0	52.1	76.0	82.0	84.2
2	28	48	70.0	76.0	80.5	85.2	90.5
4	4	78	69.0	75.9	78.5	81.1	83.0
4	30	270	63.0	74.0	77.0	80.0	162
4	38	45	64.0	71.5	77.0	80.0	83.0
4	40	16	66.4	68.6	76.0	80.3	81.0
4	43	24	7.00	72.0	74.4	77.3	79.0
4	126	3	75.0		81.7		84.0
4	140	3	79.0		79.0		83.0
4	328	8	73.0	74.3	79.0	82.2	83.0

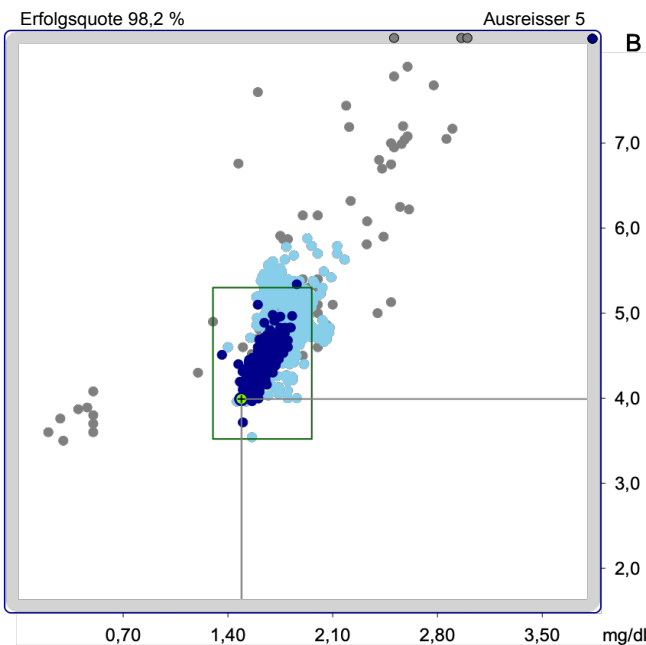
Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	530	6.00	155	161	167	1025	
2	13	15	159	163	174	183	203
2	28	48	131	155	160	171	184
4	4	78	147	157	160	166	171
4	30	270	78.0	158	162	166	179
4	38	45	140	147	153	158	162
4	40	16	153	155	167	170	176
4	43	24	6.00	157	164	168	172
4	126	3	147		151		196
4	140	3	153		155		169
4	328	8	156	158	164	168	169

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 1.3 % B 2.4 %

Andere Kits (Anzahl): 2-43(2), 2-99(1), 2-126(1), 2-140(1), 2-228(2), 2-328(1), 4-12(2), 4-13(1), 4-35(1), 4-128(2), 4-154(1), 5-04(1), 5-30(2), 7-30(1), 7-38(1).

Analyt **CRP**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	1276	
Probe/Einheit	A mg/dl	B
Mittelwert	1.72	4.71
Standardabweichung	0.206	0.493
Variationskoeffizient	11.9	10.5

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	1276	0.200	1.60	1.70	1.86	18.2	
1	61	41	1.70	1.80	1.90	2.00	2.10
2	13	12	1.61	1.63	1.68	1.77	1.80
2	28	46	1.52	1.62	1.69	1.77	1.94
4	4	143	1.60	1.74	1.83	1.88	2.00
4	7	52	1.46	1.65	1.83	1.95	2.13
4	30	582	1.36	1.58	1.63	1.70	18.2
4	38	126	1.59	1.66	1.70	1.78	1.91
4	40	30	1.62	1.82	1.89	2.01	2.13
4	43	38	1.80	1.83	1.93	2.04	2.08
4	126	18	1.65	1.68	1.78	1.86	1.91
4	328	72	1.73	1.80	1.83	1.88	2.00
5	44	25	1.47	2.19	2.49	2.61	2.96
5	61	15	1.70	1.80	1.90	1.94	2.00

Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	1276	3.50	4.30	4.62	5.12	47.6	
1	61	41	4.60	4.70	4.90	5.20	5.40
2	13	12	4.81	4.83	5.35	5.87	5.91
2	28	46	4.17	4.31	4.49	4.67	5.30
4	4	143	4.50	4.82	4.98	5.13	5.70
4	7	52	3.96	4.35	4.76	5.14	5.70
4	30	582	3.72	4.21	4.41	4.60	47.6
4	38	126	4.59	5.08	5.28	5.43	5.78
4	40	30	4.19	4.60	4.78	4.96	5.88
4	43	38	4.52	4.65	4.73	4.80	4.89
4	126	18	4.00	4.03	4.19	4.40	4.50
4	328	72	4.40	4.67	4.82	4.99	5.20
5	44	25	5.13	6.09	6.80	7.64	8.67
5	61	15	4.40	4.61	4.80	5.04	5.20

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -8.3 % B -9.5 %

Andere Kits (Anzahl): 2-228(4), 2-328(1), 4-03(5), 4-507(1), 4-12(7), 4-13(2), 4-20(2), 4-32(2), 4-33(7), 4-36(3), 4-99(3), 4-128(4), 4-140(1), 4-168(1), 5-89(1), 5-99(1), 6-08(11), 6-89(4), 6-99(2), 6-130(11), 7-34(1), 7-99(2).

